

Univ.-Prof. Dr. rer. nat. Michael Delacher

*19.01.1986

Professor für Systembiologie (W2)

Institut für Immunologie
Universitätsmedizin der Johannes Gutenberg-Universität Mainz
D-55131 Mainz, Langenbeckstr. 1, Geb. 308A
Tel: +49-6131-17 6574
delacher@uni-mainz.de
www.immunologie-mainz.de



Akademischer Werdegang

2012 – 2016	Dr. rer. nat. in Krebsbiologie, Universität Heidelberg, Deutschland
2010 – 2012	Master of Science in Molekularer Medizin, Universität Ulm, Deutschland
2006 – 2010	Bachelor of Science in Pharmazeutischer Biotechnologie, Universität der Angewandten Wissenschaften Biberach, Deutschland

Beruflicher Werdegang

seit 2021	Tenure-Track Professor (W2) für Systembiologie der chronischen Infektion, Institut für Immunologie, Universitätsmedizin Mainz, Deutschland
2018– 2021	Postdoktoraler Wissenschaftler, Institut für Immunologie, Universitätsmedizin Regensburg, Deutschland
2016– 2018	Postdoktoraler Wissenschaftler, Institut für Tumorimmunologie, Deutsches Krebsforschungszentrum Heidelberg, Deutschland

Auszeichnungen

2019	Kompetitives Reisekostenstipendium der deutschen Gesellschaft für Immunologie
2017	Kompetitives Reisekostenstipendium der deutschen Gesellschaft für Immunologie
2015	Kompetitives Reisekostenstipendium der deutschen Gesellschaft für Immunologie
2012	Stipendium der “German-Israeli Helmholtz Research School in Cancer Biology”
2011	Kompetitives Stipendium (PROMOS) für Masterarbeit an der Stanford University
2010	Kompetitives Reisekostenstipendium der Universität Ulm für Laborrotation an der Universität von Oregon in Eugene

Ausgewählte Veröffentlichungen

Delacher M, Simon M, Sanderink L, Hotz-Wagenblatt A, Wuttke M, Schambeck K, Schmidleithner L, Bittner S, Pant A, Ritter W, Hehligns T, Riegel D, Schneider V, Groeber-Becker F, Eigenber A, Gebhardt C, Strieder N, Fischer A, Rehli M, Hoffmann P, Edinger M, Strowig T, Huehn J, Schmidl C, Prantl L, Werner J, Brors B, Imbusch CD, Feuerer M (2021). Single-cell chromatin accessibility landscape identifies tissue repair program in human regulatory T cells. *Immunity* Apr 13;54(4):702-720.e17.

Delacher M, Barra MM, Herzig Y, Eichelbaum K, Mahmoud-Reza R, Richards DM, Träger U, Hofer AC, Kazakov A, Braband KL, Gonzalez M, Wöhrl L, Schambeck K, Imbusch CD, Abramson J, Krijgsveld J, and Feuerer M (2020). Quantitative proteomics identifies TCF1 as a negative regulator of Foxp3 expression in conventional T cells. *iScience* May 22;23(5):101127.

Delacher M, Imbusch CD, Hotz-Wagenblatt A, Mallm JP, Bauer K, Simon M, Riegel D, Rendeiro AF, Bittner S, Sanderink L, Pant A, Schmidleithner L, Braband KL, Echtenachter B, Fischer A, Giunchiglia V, Hoffmann P, Edinger M, Bock C, Rehli M, Brors B, Schmidl C and Feuerer M (2020). Precursors of nonlymphoid-tissue Treg cells reside in secondary lymphoid organs and are programmed by the transcription factor BATF. *Immunity* Feb 18;52(2):295-312.

Delacher M, Schmidl C, Herzig Y, Breloer M, Hartman W, Brunk F, Kägebein D, Träger U, Hofer AC, Bittner S, Weichenhan D, Imbusch CD, Hotz-Wagenblatt A, Hielscher T, Breiling A, Federico G, Gröne HJ, Schmid RM, Rehli M, Abramson J, and Feuerer M (2019). RBPJ expression in regulatory T cells is critical for restraining TH2 responses. *Nat Commun* Apr 8;10(1):1621.

Delacher M, Imbusch CD, Weichenhan D, Breiling A, Hotz-Wagenblatt A, Träger U, Hofer AC, Kägebein D, Herrmann C, Li W, Frauhammer F, Mallm P, Lang P, Brors B, Plass C, and Feuerer M. Genome-wide DNA methylation landscape defines specialization of regulatory T cells in tissues (2017). *Nat Immunol* Oct;18(10):1160-1172.