

Jun.-Prof. Dr. rer. nat. Charles Imbusch

*02.12.1983

Professor für Quantitative Biomedizin (W1)

Institut für Immunologie
Universitätsmedizin der Johannes Gutenberg-Universität Mainz
D-55131 Mainz, Langenbeckstr. 1, Geb. 308A

c.imbusch@uni-mainz.de
www.immunologie-mainz.de



Akademischer Werdegang

2017 – 2019 Dr. rer. nat. in Bioinformatik, Universität Heidelberg, Deutschland
2004 – 2010 Diplom Bioinformatik, Universität Jena, Deutschland

Beruflicher Werdegang

seit 2023 Tenure-Track Professor (W1) für Quantitative Biomedizin, Institut für Immunologie, Universitätsmedizin Mainz, Deutschland
seit 2018 Teamleader für Rechnergestützte Onkoimmunologie innerhalb der Abteilung Angewandte Bioinformatik, Deutsches Krebsforschungszentrum Heidelberg, Deutschland
2019 - 2023 Postdoktoraler Wissenschaftler, Abteilung Angewandte Bioinformatik, Deutsches Krebsforschungszentrum Heidelberg, Deutschland

Ausgewählte Veröffentlichungen

Lutz R, Grünschlager F, Simon M, ..., Brors B*, Goldschmidt H*, **Imbusch CD***, Hundemer M*, Haas S*. Multiple myeloma long-term survivors exhibit sustained immune alterations decades after first-line therapy, Nat Commun. 2024 Nov 29;15(1):10396. doi: 10.1038/s41467-024-54543-0.

Delacher M*, Schmidleithner L*, Simon M*, Stüve P*, ..., **Imbusch CD**, Feuerer M. The Effector Program of Human CD8 T Cells Supports Tissue Remodeling, Journal of Experimental Medicine. 2024 Feb 5;221(2):e20230488., doi: 10.1084/jem.20230488

Kandala S, Ramos M, Voith von Voithenberg L, Diaz-Jimenez A, Chocarro S, Keding J, Brors B, **Imbusch CD**, Sotillo R. Chronic Chromosome Instability Induced by Plk1 Results in Immune Suppression in Breast Cancer, Cell Reports. 2023 Dec 26;42(12):113266. doi: 10.1016/j.celrep.2023.113266

Malte Simon*, Sadaf S Mughal*, Peter Horak, Sebastian Uhrig, Jonas Buchloh, Bogac Aybey, Albrecht Stenzinger, Hanno Glimm, Stefan Fröhling, Benedikt Brors, **CD Imbusch**, Deconvolution of sarcoma methylomes reveals varying degrees of immune cell infiltrates with association to genomic aberrations, J Transl Med. 2022 Apr 2;20(1):152. doi: 10.1186/s12967-022-03316-8

Delacher M*, **Imbusch CD***, Weichenhan D, Breiling A, Hotz-Wagenblatt A, Träger U, Hofer AC, Kägebein D, Wang Q, Frauhammer F, Mallm JP, Bauer K, Herrmann C, Lang PA, Brors B, Plass C, Feuerer M., Genome-wide DNA-methylation landscape defines specialization of regulatory T cells in tissues, Nat Immunol. 2017 Oct;18(10):1160-1172. doi: 10.1038/ni.3799. Epub 2017 Aug 7.